

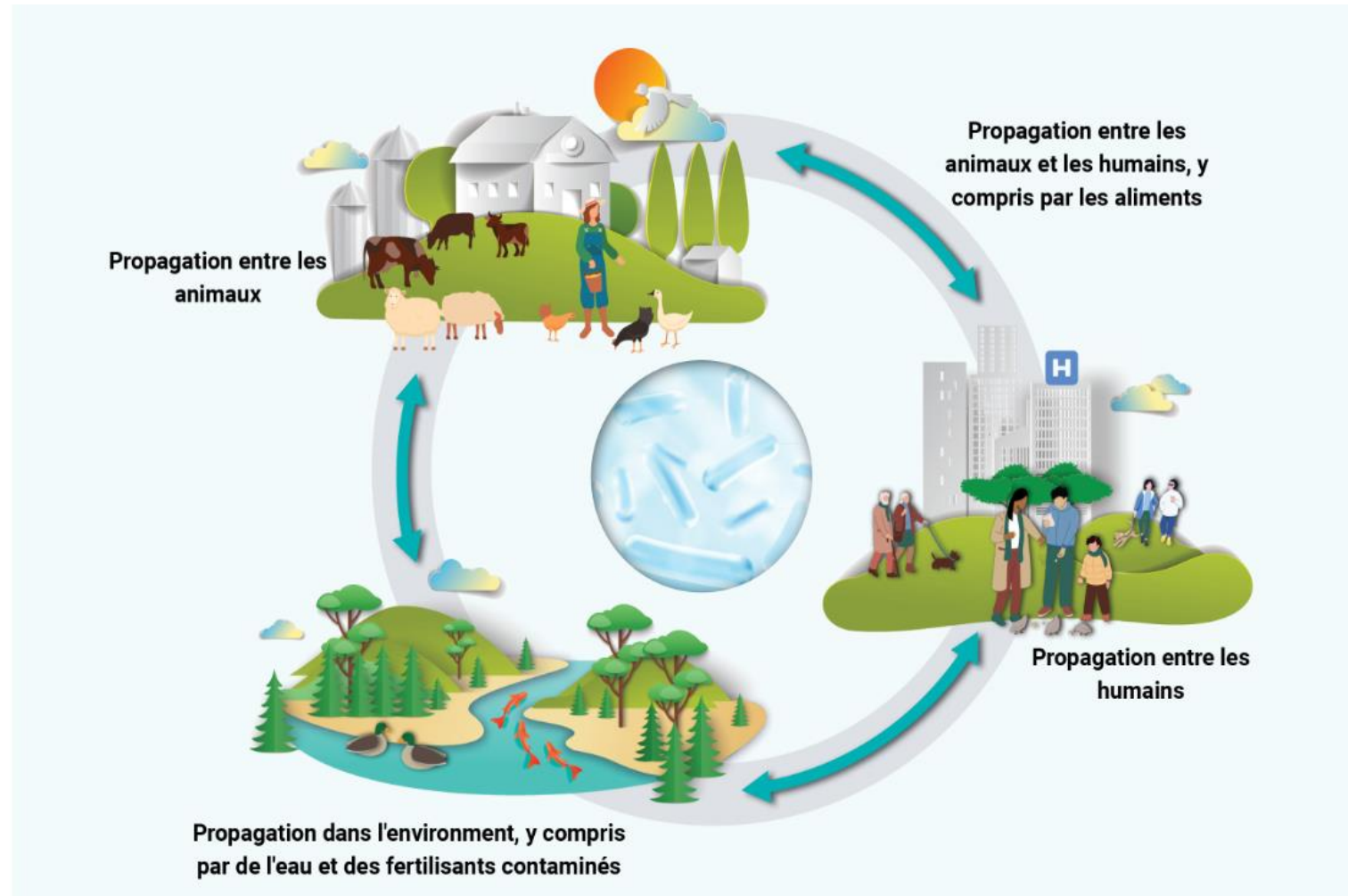
WELKE MONITORINGSPROGRAMMA'S OVER ANTIBIOTICUMRESISTENTIE BIJ DIEREN ZIJN ER IN BELGIË?

Cécile Boland et Cristina Garcia Graells

Antibioticumresistentieproblematiek (RAM)



Antibioticumresistentie: One Health!



Monitoring AMR bij gezonde vs. zieke dieren



- Actief
- Legaal kader (EU-Decision 2020/1729)
- Door Europa geharmoniseerd
- Doel:

- Gemonitorde resistentie:



- Actoren:

sciensano



sciensano



- Passief
- Voor diagnostiek
- (Nog) niet geharmoniseerd → EARS vet
- Doel: hulp antibioticumkeuze



- Gemonitorde resistentie:

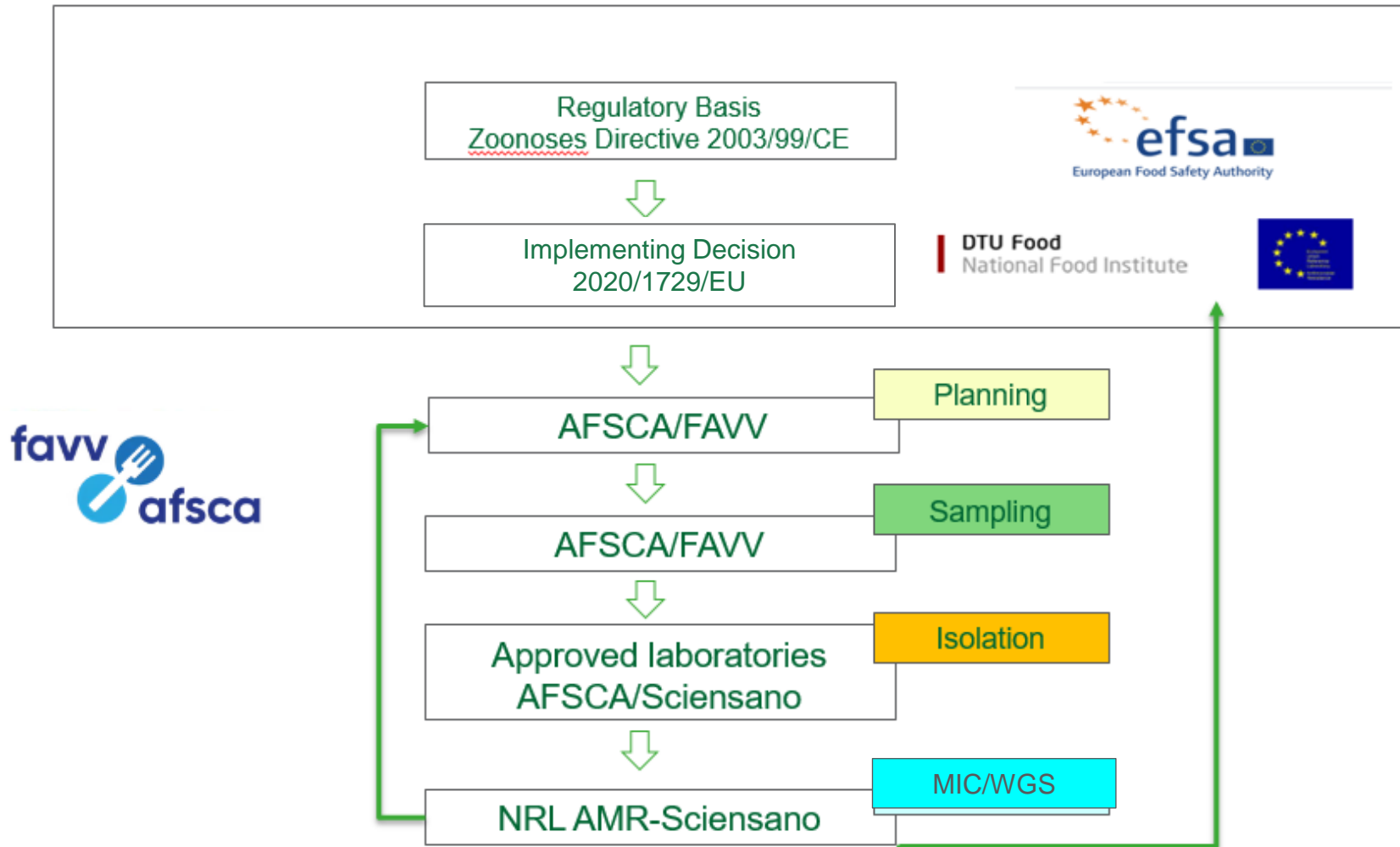


- Actoren:

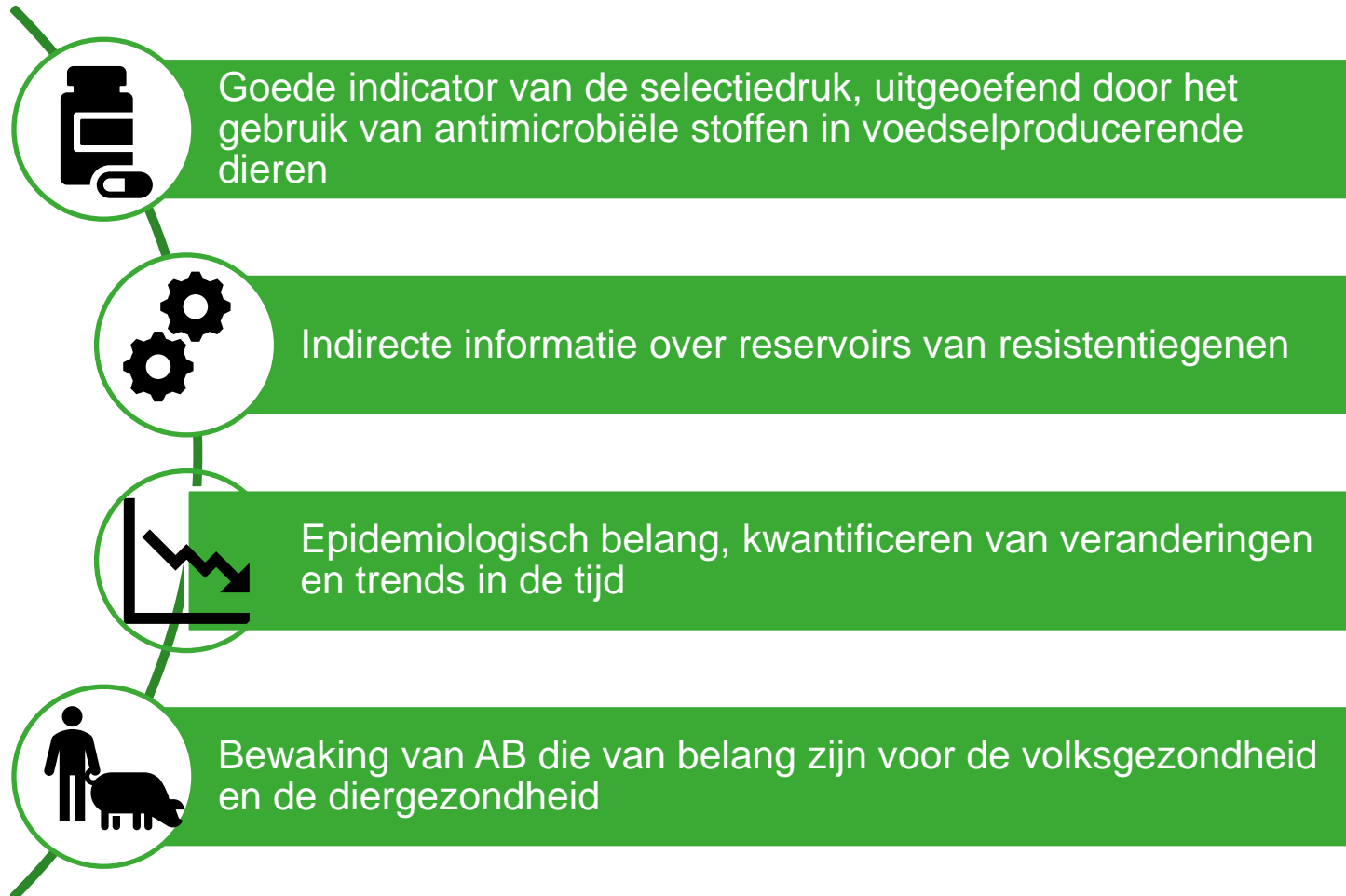
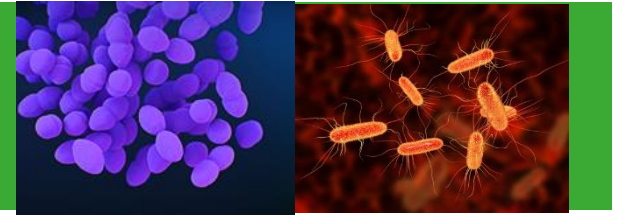
+ verschillende andere 1° lijnlaboratoria

.be

Flowchart AMR-Gezonde dieren

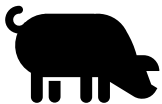


Monitoring AMR bij gezonde dieren – indicatoren *E. coli* en Enterokokken



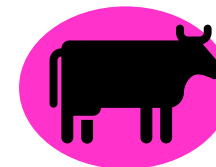
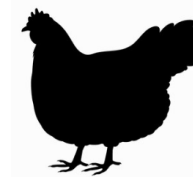
Monitoring AMR bij gezonde dieren – indicatoren *E. coli* en Enterokokken

Verplicht of Vrijwillig
Slachthuis ★



Afwisselende
diercategorieën
✓ Even jaren
(2 poten)
✓ Oneven (4 poten)

Vrijwillig
Veehouderij

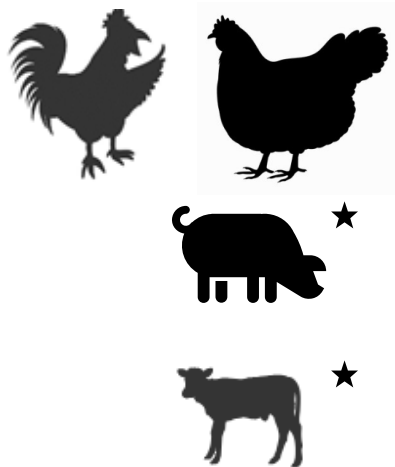


Monitoring AMR bij gezonde dieren – zoönotische bacteriën

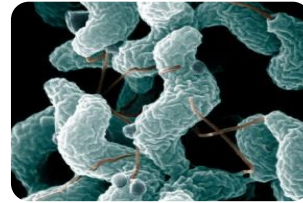


Salmonella spp.

Verplicht

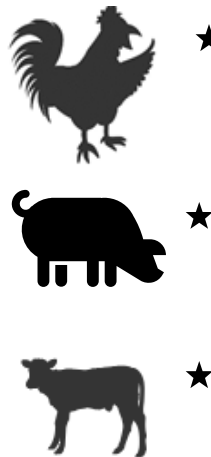


- Aminoglycosiden
- Penicillinen
- Macroliden
- 3^{de} gen cefalosporines
- Fenicolen
- Fluoro(quinolone)
- Polymyxine
- **Carbapenems**
- Tetracycline
- Glycylcycline
- Foliumzuurmetabolisme-antagonist

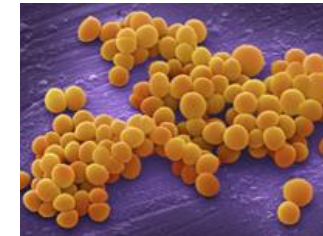


Campylobacter spp.

Verplicht

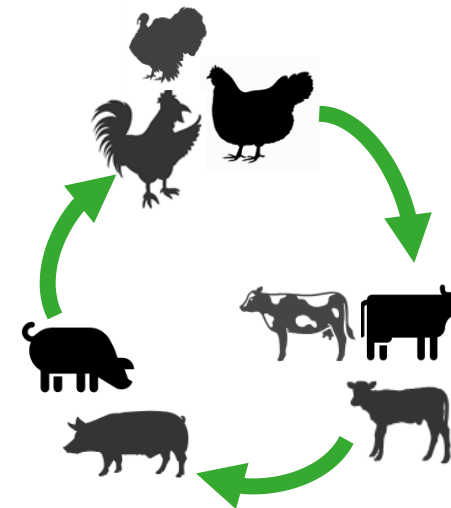


- Aminoglycosiden
- Macroliden
- Fenicolen
- Fluoro(quinolone)
- **Carbapenems**
- Tetracycline



MRSA

Vrijwillig



- MRSA: WGS sinds 2022
- AMR genen
 - Gealigneerd
 - Dieren / mensen

Monitoring AMR bij zieke dieren



Journal of
Antimicrobial
Chemotherapy

J Antimicrob Chemother 2022; 77: 816–826
<https://doi.org/10.1093/jac/dkab462> Advance Access publication 12 January 2022



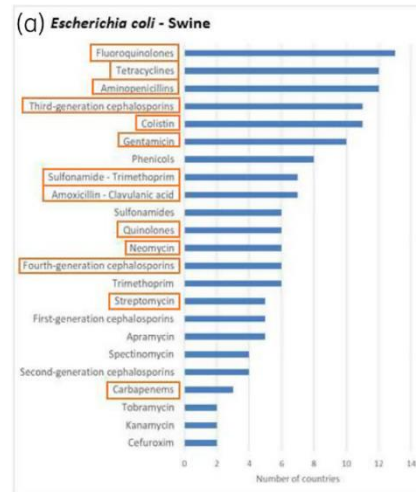
Defining the scope of the European Antimicrobial Resistance Surveillance network in Veterinary medicine (EARS-Vet): a bottom-up and One Health approach

Rodolphe Mader^{1*} on behalf of EU-JAMRAI†, Clémence Bourély², Jean-Philippe Amat³, Els M. Broens⁴, Luca Busani⁵, Bénédicte Callens⁶, Paloma Crespo-Robledo⁷, Peter Damborg⁸, Maria-Eleni Filippitzi^{9,10}, William Fitzgerald¹¹, Thomas Grönthal¹², Marisa Haenni¹³, Annet Heuvelink¹³, Jobke van Hout¹³, Heike Kaspar¹⁴, Cristina Muñoz Madero⁷, Madelaine Norström¹⁵, Karl Pedersen¹⁶, Lucie Pokludova¹⁷, Fabiana Dal Pozzo⁶, Rosemarie Slowey¹⁸, Anne Margrete Urdahl¹⁵, Alkiviadis Vatopoulos¹⁹, Christos Zafeiridis²⁰ and Jean-Yves Madec¹

Analyse op
vraag

Combinatie van
bacteriesoort/AB
panel

Interpretatie



Downloaded from <http://jac.oup.com/>

9.1 Pathogens in beef cattle

9.1.1 *Escherichia coli*

9.1.2 *Mannheimia haemolytica* & *Pasteurella multocida*

9.2 Pathogens in chickens

9.2.1 *Escherichia coli*

9.2.2 *Enterococcus cecorum*

9.3 Pathogens in swine

9.3.1 *Escherichia coli*

9.3.2 *Staphylococcus hyicus*

9.3.3 *Streptococcus suis*

9.3.4 *Pasteurella multocida*

9.3.5 *Actinobacillus pleuropneumonia*

9.3.6 *Brachyspira hyodysenteriae*

9.4 Pathogens of bovine mastitis

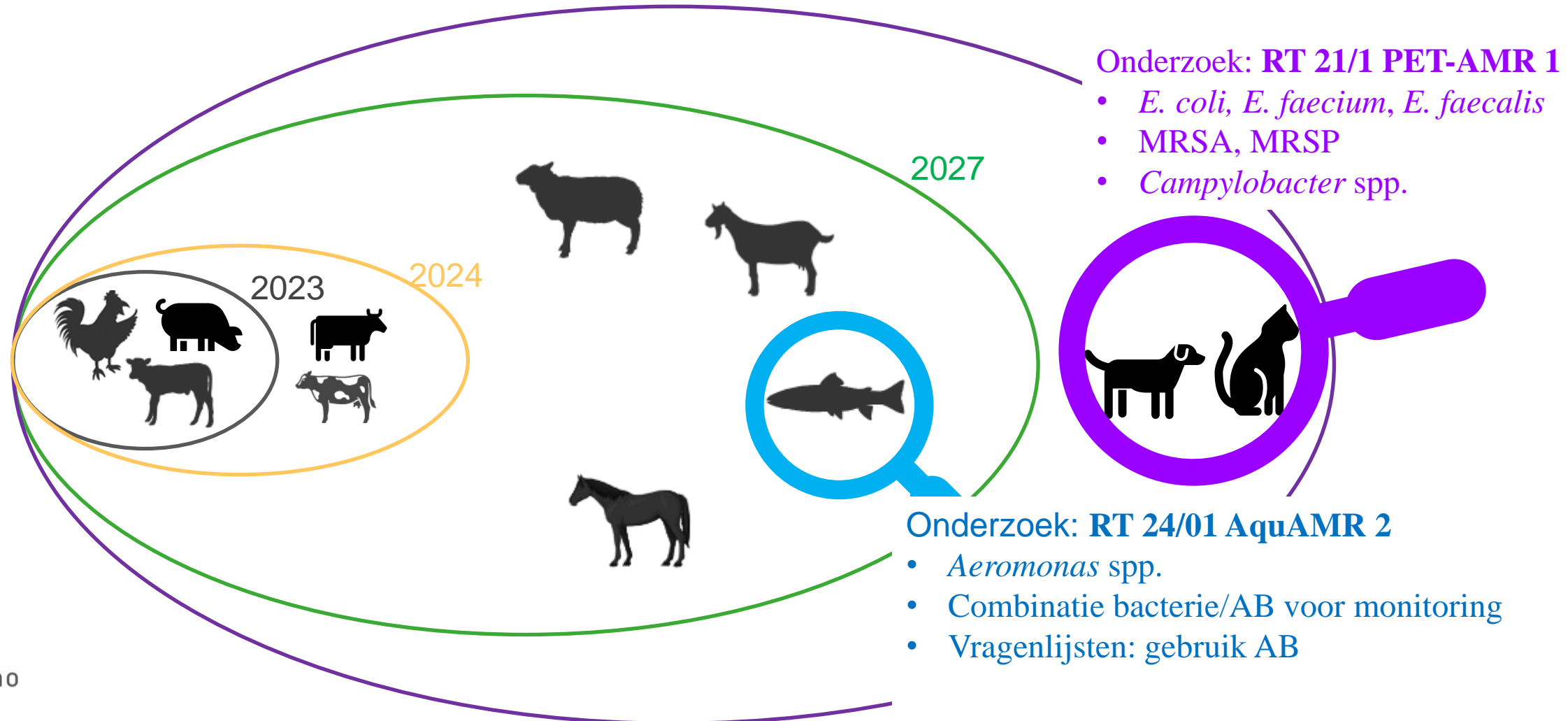
9.2.1 *Escherichia coli*

9.2.2 *Staphylococcus aureus*



Monitoring AMR bij gezonde dieren: uitbreiding in de toekomst?

- Progressieve uitbreiding van datacollectie over gebruik AB



Contact

• LNR-AMR



- Service de Pathogènes alimentaires • MaríaCristina.GarciaGraells@sciensano.be
- Service de Bactériologie vétérinaire • cecile.boland@sciensano.be